**데이터 분석 프로그램 워크샵 신청서**

아래 신청서에 원하시는 참석일과 GeoMx Spatial Transcriptome service & RNA-Seq / Single Cell RNA-Seq/ Metagenome (16s rRNA seq) 중 한 개를 선택하고 원하는 시간을 체크해 주시면 감사하겠습니다.  
본 신청서를 작성하여 이메일(service@e-biogen.com)로 회신 부탁드립니다.

**신청 날짜 및 시간**

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **GeoMx & RNA-Seq\*** | **□1월 19일 (오전)** | **□ 2월 16일 (오전))** | **□ 3월 16일 (오전)** |
| **Single Cell RNA-Seq\*\*** | **□1월 19일 (오후)** | **-** | **□ 3월 16일 (오후)** |
| **Metagenome\*\*\*** | **-** | **□2월 16일 (오후)** | **-** |

**\*** GeoMx & RNA-Seq(Advanced) : GeoMx, ExDEGA, Graphicplus, GSEA, MeV, Cytoscape 프로그램 교육   
**\*\*** Single Cell RNA-Seq : scRNA-Seq 유경험자 대상으로 10x Loupe ExSCEA, WinSeurat 프로그램 교육 **\*\*\*** Metagenome (16s rRNA sequencing): ExMEGA 프로그램 교육

**교육시간 : 오전 9시 30분 / 오후 2시 (약 3시간 소요)**

|  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **성명** | | |  | | | |
| **소속 및 연구실** | | |  | | | |
| **담당 교수 및 책임자** | | |  | | | |
| **휴대폰번호** | | |  | | | |
| **이메일** | | |  | | | |
| **최근 관심 분야** | NGS | □ mRNA-Seq | | | □ Total RNA-Seq | |
| □ Small RNA-Seq | | | □ Single Cell RNA-Seq | |
| □ ChIP-Seq/MBD-Seq | | | □ GeoMx Spatial Transcriptome Service | |
| □ Metagenome 16S rRNA-Seq | | | □ Other ( ) | |
| Others | □ Antibody Array | | □ PCR Array | | □ Other ( ) |
| **관심 장비** | □ Lab Automation | | | □ Cell counting | | □ Microarrayer |

본인은 ㈜이바이오젠의 데이터 분석 프로그램 워크샵을 위와 같이 신청합니다.

본인은 ㈜이바이오젠의 행사 및 뉴스레터 이메일 수신에 동의함 ▣

년 월 일